

Questions sur la traduction

Voici la séquence du brin codant d'un gène. Il n'y a pas d'introns.

10 20 30 40 50 60
 5' ACCATTCTAT CGCCATTCGG ACCAIGGTTA TGGGATCTTA CGGCTACCGG GCGACTTTGG
 70 80 90 100 110 120
 AGGGATAAGC TTATCGGTGA TTTTAGCGAT CTTAGGAGAT CTAGGCTAGC AGTGCATGCT 3'

Quelle est la taille en acide aminés de la protéine codée

1. par la séquence telle qu'elle est donnée ? 14
2. si le T de la position 17 est muté en G ? 17
3. si le T à la position 25 est muté en G ? 12
4. si le T à la position 66 est muté en G ? 18
5. si le T à la position 93 est muté en G ? 14

		Second Letter					
		T	C	A	G		
First Letter	T	TTT } Phe TTC } TTA } Leu TTG }	TCT } TCC } Ser TCA } TCG }	TAT } Tyr TAC } TAA Stop TAG Stop	TGT } Cys TGC } TGA Stop TGG Trp	T	C
	C	CTT } CTC } Leu CTA } CTG }	CCT } CCC } Pro CCA } CCG }	CAT } His CAC } CAA Gln CAG }	CGT } CGC } Arg CGA } CGG }	T	C
	A	ATT } ATC } Ile ATA } ATG Met	ACT } ACC } Thr ACA } ACG }	AAT } Asn AAC } AAA Lys AAG }	AGT } Ser AGC } AGA Arg AGG }	T	C
	G	GTT } GTC } Val GTA } GTG }	GCT } GCC } Ala GCA } GCG }	GAT } Asp GAC } GAA Glu GAG }	GGT } GGC } Gly GGA } GGG }	T	C
		Third Letter					

Réponses

10 20 30 40 50 60
5' ACCATTCTAT CGCCATTCGG ACCAATGGTTA TGGGATCTTA CGGCTACCGG GCGACTTTGG
70 80 90 100 110 120
AGGGATTAAGC TTATCGGTGA TTTTAGCGAT CTTAGGAGAT CTAGGCTAGC AGTGCATGCT 3'

1 : 14 acides aminés

10 20 30 40 50 60
5' ACCATTCTAT CGCCATTCGG ACCAATGGTTA TGGGATCTTA CGGCTACCGG GCGACTTTGG
70 80 90 100 110 120
AGGGATTAAGC TTATCGGTGA TTTTAGCGAT CTTAGGAGAT CTAGGCTAGC AGTGCATGCT 3'

2 : 17 acides aminés

10 20 30 40 50 60
5' ACCATTCTAT CGCCATTCGG ACCAGGGGTTA TGGGATCTTA CGGCTACCGG GCGACTTTGG
70 80 90 100 110 120
AGGGATTAAGC TTATCGGTGA TTTTAGCGAT CTTAGGAGAT CTAGGCTAGC AGTGCATGCT 3'

3. 12 acides aminés

10 20 30 40 50 60
5' ACCATTCTAT CGCCATTCGG ACCAATGGTTA TGGGATCTTA CGGCTACCGG GCGACTTTGG
70 80 90 100 110 120
AGGGAGGAAGC TTATCGGTGA TTTTAGCGAT CTTAGGAGAT CTAGGCTAGC AGTGCATGCT 3'

4. 18 acides aminés

10 20 30 40 50 60
5' ACCATTCTAT CGCCATTCGG ACCAATGGTTA TGGGATCTTA CGGCTACCGG GCGACTTTGG
70 80 90 100 110 120
AGGGATTAAGC TTATCGGTGA TTTTAGCGAT CTGAGGAGAT CTAGGCTAGC AGTGCATGCT 3'

5. 14 acides aminés (la mutation ne change rien)